

产品概述

AcuGenix™ FastAmpli qPCR Master Mix with UNG 是采用 SYBR Green I 嵌合荧光法进行 Real Time PCR 的专用试剂, 含有经基因改造筛选得来的可快速扩增的 DNA 聚合酶, 能在 30 min 内完成 PCR 反应; 使用抗体修饰法在常温下完全封闭 Taq 酶活性, 能够有效抑制常温条件下引物非特异性退火或者引物二聚体引起的非特异性扩增, 提高扩增反应的特异性; 采用了优化配方的 qPCR 专用 Buffer 和 UNG/dUTP 防污染系统, 大大提高了 qPCR 反应的扩增效率和检测灵敏度, 可以在较宽的定量区域内得到良好的标准曲线, 准确进行定量, 并能够有效防止 PCR 产物残留、气溶胶污染导致的假阳性扩增。本试剂中含有示踪染料, 便于加样, 且不影响荧光信号收集。

试剂组成

组分	BR1E103-71 500 T (20 µL/T)	BR1E103-72 2500 T (20 µL/T)
2×AcuGenix™ FastAmpli qPCR Master Mix with UNG*	5×1 mL	25×1 mL

*本试剂含有 DNA 扩增酶、PCR Buffer、MgCl₂、dNTPs、SYBR Green I 等成分。

保存条件

-20±5℃避光存储。

注意事项

1. 本产品仅作科研用途, 不用于临床诊断。
2. 本试剂盒中试剂使用前请上下颠倒轻轻混匀, 尽量避免起泡, 并经短暂离心后使用。
3. 反应体系配制时请于超净工作台内进行, 配制过程中推荐使用专用的移液枪和带滤芯的枪头, 操作人员带口罩和一次性手套并经常更换手套。
4. 本试剂盒中的各试剂应尽量避免反复冻融, 反复冻融可能使产品性能下降, 如每次使用量较少, 推荐小份分装使用。
5. 由于本品中含有荧光染料 SYBR Green I, 配制反应体系时应尽量避免强光照。
6. 本品所含快速 DNA 聚合酶的扩增速率不低于 1 kb/10 s。不同快速 PCR 仪其升降温速、控温模式、导热效率差异较大, 建议结合具体快速 PCR 仪, 进行其最适反应条件的优化。
7. 本试剂反应体系经过特殊配制, 具有更高的特异性, 能够显著提升荧光定量 PCR 极限检测的灵敏度, 使极低浓度模板的扩增曲线归一性、荧光值获得明显改善, 适合作为高灵敏度荧光定量 PCR 检测试剂。
8. 对于退火温度较低的引物或超过 200 bp 长片段扩增建议采用三步法。

qPCR 反应体系配制

试剂	加量
2×AcuGenix™ FastAmpli qPCR Master Mix with UNG	10 µL
Forward Primer (10 µM) ¹	0.4 µL
Reverse Primer (10 µM)	0.4 µL
Template DNA ²	—
RNase-free ddH ₂ O	To 20 µL

1. 使用普通 PCR 程序扩增时, 通常引物终浓度为 0.2 µM 可以得到较好结果; 反应性能较差时, 可以在 0.2-1 µM 范围内调整引物浓度; 使用快速 PCR 程序扩增时, 适当提高引物浓度有可能获得更好的扩增结果。

2. 因不同物种的模板中含有的目的基因拷贝数不同, 可对模板进行梯度稀释, 以确定最佳的模板使用量。

反应条件

普通 PCR 程序			
步骤	温度	时长	循环数
消化	50°C	2 min	1
预变性 ¹	95°C	1 min	1
变性 ²	95°C	10 s	40
*退火延伸 ³	56-64°C	30 s	
*熔解曲线分析 ⁴			

快速 PCR 程序			
步骤	温度	时长	循环数
消化	50°C	2 min	1
预变性 ¹	95°C	30 s	1
变性 ²	95°C	1 s	40
*退火延伸 ³	56-64°C	10 s	
*熔解曲线分析 ⁴			

1. 预变性条件适合绝大多数扩增反应, 标准程序选择 1 分钟, 快速程序最短可选 30 秒。如模板结构复杂, 可将预变性时间延长至 3 分钟以提高预变性效果。

2. 变性: 标准程序选择 10 秒; 快速程序最短可选 1 秒。

3. 退火/延伸: 标准程序选择 30 秒; 快速程序: 对于 200 bp 以内的扩增子, 延伸时间可设为 10 秒; 超过 200 bp 时, 推荐延伸时间适当延长, 退火延伸的温度根据设计的引物 T_m 值进行调整。

4. 熔解曲线分析请以所使用的荧光定量 PCR 仪推荐的程序进行设定。

5. *标注处设置信号采集。

FAQ

1. 阴性对照中观察到扩增现象?

(1) 反应体系受污染: 更换新的混合液、ddH₂O 和引物以重复实验。反应体系应在超净工作台中制备, 以减少气溶胶污染。

(2) 引物二聚体: 结合熔解曲线进行分析。

2. 在绝对定量中, 标准曲线的线性关系不理想?

(1) 移液器偏差: 增加模板的稀释倍数, 并相应增加移液体积。

(2) 模板降解: 重新制备模板, 重复实验。

(3) 模板浓度过高: 增加稀释倍数。

3. 熔解曲线出现多个峰?

(1) 引物设计不当: 根据引物设计原则重新设计并合成新的引物。

(2) 引物浓度过高: 降低引物浓度;

(3) cDNA 模板受到基因组 DNA 污染: 制备新的 cDNA 模板。